

**DIPUTADOS
ARGENTINA**

“2025 - AÑO DE LA RECONSTRUCCIÓN DE LA NACIÓN ARGENTINA”

PROYECTO DE RESOLUCIÓN

LA HONORABLE CÁMARA DE DIPUTADOS DE LA NACIÓN

RESUELVE

Declarar de Interés de la Honorable Cámara de Diputados de la Nación el descubrimiento y publicación en la revista científica eLife del genoma de la yerba mate (*Ilex paraguariensis*) un avance de trascendencia internacional liderado por investigadores del Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas (CONICET) en colaboración con instituciones nacionales e internacionales, con significativo impacto para el mejoramiento genético de la especie y su aplicación en la industria alimentaria, farmacéutica y biotecnológica.

YAMILA LISETTE RUIZ

DIPUTADA NACIONAL



“2025 - AÑO DE LA RECONSTRUCCIÓN DE LA NACIÓN ARGENTINA”

FUNDAMENTOS

Señor Presidente:

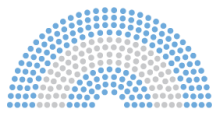
Especialistas del CONICET han logrado descifrar el genoma de la yerba mate (*Ilex paraguariensis*), una planta emblemática de Argentina y de particular relevancia para la provincia de Misiones, que es el principal territorio productor a nivel mundial. Este descubrimiento, publicado en la prestigiosa revista científica eLife, representa un hito en la investigación genética de especies de alto valor económico y cultural, permitiendo nuevas oportunidades de desarrollo en múltiples sectores productivos y científicos.

El estudio, liderado por el investigador Adrián Turjanski, del Instituto de Química Biológica de la Facultad de Ciencias Exactas y Naturales de la Universidad de Buenos Aires (IQUIBICEN, CONICET-UBA), contó con la participación de un equipo interdisciplinario de científicos argentinos y de otros países. Entre ellos se destacan Maximiliano Rossi, cuya tesis doctoral en el Instituto de Biotecnología Misiones Dra. María Eber ECA (InBioMis, FCEQyN Universidad Nacional de Misiones) formó parte del trabajo, y su director de tesis Pedro Zapata, investigador del CONICET en la misma institución.

Asimismo, participaron investigadores del Instituto de Botánica del Nordeste (IBONE, CONICET-Universidad Nacional del Nordeste) y del Instituto de Biología Subtropical (IBS, CONICET-UNaM), con sede en Posadas, Misiones.

El relevamiento genómico de la yerba mate abre un nuevo campo de investigación aplicada con impacto directo en la producción agrícola y en la diversificación de productos derivados. Con la decodificación del ADN de la planta, se podrá avanzar en el desarrollo de variedades más resistentes a climas y suelos diversos, así como en la optimización de sus propiedades nutricionales y terapéuticas. Un aspecto crucial del hallazgo es la identificación de los genes responsables de la síntesis de cafeína, lo que permitirá, en el futuro, desarrollar variedades de yerba mate con menor contenido de este alcaloide, beneficiando a consumidores con sensibilidad a la acidez o que prefieran opciones descafeinadas.

El trabajo también ha revelado que la síntesis de la cafeína en la yerba mate evolucionó de manera convergente respecto a otras plantas como el café y el té, lo que proporciona nuevas perspectivas en la investigación sobre la evolución genética de especies vegetales de alto valor comercial. Asimismo, se identificó que un ancestro de la yerba mate duplicó su ADN hace aproximadamente 50 a 70 millones de años, lo que pudo haber sido clave para



DIPUTADOS ARGENTINA

“2025 - AÑO DE LA RECONSTRUCCIÓN DE LA NACIÓN ARGENTINA”

la producción de compuestos bioactivos como terpenos, flavonoides y fenoles, “2025 - AÑO DE LA RECONSTRUCCIÓN DE LA NACIÓN ARGENTINA” que le otorgan propiedades antioxidantes, antidiabéticas y estimulantes del sistema nervioso.

El descubrimiento no solo constituye un aporte científico de relevancia internacional, sino que también posiciona a Argentina y a la provincia de Misiones como referentes en la investigación biotecnológica aplicada a la producción de yerba mate. Este avance abre la puerta a múltiples aplicaciones industriales en los sectores alimenticio y farmacéutico, con potencial para desarrollar productos diferenciados y de alto valor agregado.

Es importante destacar la colaboración de instituciones nacionales con centros de investigación internacionales como el Laboratorio Europeo de Biología Molecular (EMBL), la Universidad de Illinois, la Universidad de California y la Universidad de Western Michigan, entre otros. La cooperación entre investigadores de distintas disciplinas y países ha sido clave para alcanzar estos resultados y demuestra la capacidad de los científicos argentinos para liderar proyectos de envergadura global.

Por todo lo expuesto, y considerando la importancia de este hallazgo tanto para la ciencia como la economía argentina, solicito a mis pares el acompañamiento para la aprobación del presente proyecto de resolución.

YAMILA LISETTE RUIZ

DIPUTADA NACIONAL